



### Für externe Einsender:

**PD Dr. med. A. Caliebe**  
**Dr. med. M. Kautza-Lucht**  
**Dr. med. Ph.D. M.-P. Hitz**

Fachärzte für Humangenetik

**PD Dr. rer. nat. E.M. Murga Penas**

Leitung tumorgenetisches Labor

Universitäres MVZ Kiel für Spezialdiagnostik und genetische  
Medizin der Ambulanzzentrum des UKSH gGmbH

**Fachbereich Humangenetik**

Arnold-Heller-Straße 3

24105 Kiel

**( Lieferadresse: Schwanenweg 24 )**

BSNR 013212900 / 019711600

Email: mvz-kiel-genetik@uksh.de

**Tel.: 0431-500-92136** FAX: -30688



### Für interne Einsender :

**PD Dr. med. A. Caliebe**

Fachärztin für Humangenetik

**PD Dr. rer. nat. E.M. Murga Penas**

Leitung tumorgenetisches Labor

Institut für Humangenetik der Christian-Albrechts-  
Universität zu Kiel

Universitätsklinikum Schleswig-Holstein Campus Kiel  
Arnold-Heller-Straße 3

24105 Kiel

**( Lieferadresse: Schwanenweg 24 )**

Tel: 0431-500 30601 (Institutsangelegenheiten)

**Tel: 0431-500 30609**

**(Terminvereinbarung für Patienten: Mo.-Fr., 9:00-**

**12:00 Uhr, Mo., Di. und Do., 14:00-16:00 Uhr)**

Email: [office@medgen.uni-kiel.de](mailto:office@medgen.uni-kiel.de)

### Für Rückfragen zur Probeneinsendung: 0431-500-92136

*Bitte diesen Begleitzettel jeder Probe beifügen. Bei Probenentnahme zum  
Wochenende bitte telefonisch anmelden. Gerne senden wir Ihnen auch  
Versandmaterial zu.*

### Weitere Einsendescheine: [www.humangenetik-kiel.de](http://www.humangenetik-kiel.de)

*Bei ambulanter Abrechnung nach EBM bitte **Ü-Schein Muster 10**  
(weiß) beilegen. Sollten Sie Fragen zur Diagnostik haben, so stehen  
wir selbstverständlich telefonisch zur Verfügung.*

### Angaben zu Ihrem Patienten / zu Ihrer Patientin

### Ggf. Aufkleber

Name ..... Vorname .....

geboren ..... Telefon .....

Straße ..... PLZ .....

Ort .....

### Angaben zur Abrechnung

stationär       ambulant:     §116b     ASV       Privat       Krankenkasse: .....

### Einverständnis des Patienten / der Patientin / des gesetzlichen Vertreters

Mit meiner Unterschrift bestätige ich mein Einverständnis mit der geplanten genetischen Untersuchung, der dazu notwendigen Blut-/ Gewebeentnahme, der Archivierung sowie gegebenenfalls Nutzung verbleibenden Untersuchungsmaterials für Forschungszwecke (anonym). Ich bin damit einverstanden, dass für Abrechnungszwecke ggf. Daten an eine Ärztliche Verrechnungsstelle weitergeleitet werden (Nichtzutreffendes bitte streichen).

.....  
Ort, Datum

.....  
Unterschrift Patientin / Patient / gesetzlicher Vertreter

### bzw. Bestätigung des Arztes:

Die Einwilligung des o.g. Patienten (bzw. bei Minderjährigen seiner Erziehungsberechtigten) zu den angeforderten Untersuchungen liegt mir vor. Die Einwilligung zur Blut-/ Gewebeentnahme, zur Archivierung sowie ggf. Nutzung verbleibenden Untersuchungsmaterials für Forschungszwecke (anonym) sowie ggf. zur Weitergabe der Daten für Abrechnungszwecke an eine Ärztliche Verrechnungsstelle liegt mir ebenfalls vor. (Nichtzutreffendes bitte streichen.)

.....  
Name des anfordernden Arztes (bitte DRUCKBUCHSTABEN)

.....  
Ort und Datum

.....  
Stempel und Unterschrift des anfordernden Arztes

### Für Privatpatienten:

#### Einwilligung in die Datenweitergabe

Ich erteile hiermit die jederzeit widerrufliche Einwilligung, dass die Ambulanzzentrum des UKSH gGmbH die zur Abrechnung erforderlichen wesentlichen Daten der Behandlung, insbesondere solche aus der Patientenkartei (Name, Geburtsdatum, Anschrift, Krankenversicherung, Befunde, Behandlungsverläufe), auch soweit es sich dabei um „besondere Arten personenbezogener Daten“ i.S. v. § 3 Abs. 9 des Bundesdatenschutzgesetzes (BDSG) handelt, der damit beauftragten Abrechnungsstelle, der unimed Abrechnungsservice für Kliniken und Chefärzte GmbH, Auf der Heide 17-19, 66687 Noswendel, ausschließlich zum Zwecke der Rechnungsstellung und des Inkassos zur Verfügung stellt. Insoweit entbinde ich die an der Behandlung beteiligten Ärzte der Ambulanzzentrum des UKSH gGmbH ausdrücklich von der ärztlichen Schweigepflicht.

.....  
Ort, Datum

.....  
Unterschrift Patientin / Patient / gesetzlicher Vertreter  
bei minderjährigen Patienten des oder der Sorgeberechtigten



## Angaben zum Untersuchungsmaterial und Patienten

**Name** \_\_\_\_\_ **Vorname** \_\_\_\_\_ **Geburtsdatum** \_\_\_\_\_

männlich       weiblich

**Entnahmedatum:** ..... / ..... / 20.....

Blut     Knochenmark     Lymphknoten     Ausstriche     Paraffin     anderes Material.....

5-10 ml Blut/Knochenmarkaspirat in Heparin (für molekulargenetische Untersuchungen EDTA), Lymphknoten/Tumorgewebe in 0,9% Kochsalzlösung oder in RPMI-1640 Medium

## Angeforderte Untersuchung

Verdacht auf       gesichert       Verlaufskontrolle (bitte Vorbefund angeben)

**DIAGNOSE:** .....

.....

### Tumorzytogenetische Analyse (weitere Fragestellungen finden Sie auf der nächste Seite)

#### Myeloische Neoplasien

- AML** (Akute Myeloische Leukämie) „AML-Panel“: inv(16)/*CBFB*, t(8;21)/*RUNX1T1-RUNX1*, t(9;22)/*ABL-BCR*, 11q23/*MLL(KMT2A)*-Rearrangement, Y-Verlust (bei Männern), -5/5q-, -7/7q-, 20q-, *TP53/17p*-Deletion, +8, +11, +13, +21. ○ t(15;17)/*PML-RARA* bei **AML-M3**
- MDS** (Myelodysplastisches Syndrom) „MDS-Panel“: *MLL(KMT2A)*-Rearrangement, Y-Verlust (bei Männern), -5/5q-, -7/7q-, 20q-, *TP53/17p*-Deletion, +8, +21
- MDS/MPN** (Myelodysplastische /Myeloproliferative Neoplasien), ○ **CMML** „MDS/MPN-Panel“: 4q12/*FIP1L1-PDGFR*A, t(9;22)/*ABL-BCR*, 5q32/*PDGFRB*-, 8p11/*FGR1*-, 9p24/*JAK2*-, 12p13/*ETV6*-Rearrangement bzw. Zugewinn oder Deletion. ○ Y-Verlust, -7/7q- bei **CMML** zusätzlich
- MPN** (Myeloproliferative Neoplasien), ○ **CML** (Chronische Myeloische Leukämie) „MPN-Panel“: t(9;22)/*ABL-BCR*
- CEL** (Myelodysplastische / Lymphatische Neoplasien mit Eosinophilie) „CEL-Panel“: 4q12/*FIP1L1-PDGFR*A, 5q32/*PDGFRB*-Rearrangement, 8p11/*FGR1*- Rearrangement, 12p13/*ETV6*-Rearrangement
- HES** (Hypereosinophiles Syndrom): 4q12/*FIP1L1-PDGFR*A

#### Lymphatische Neoplasien

- CLL** (Chronische Lymphatische Leukämie), ○ **Immunozytom**, ○ **M. Waldenström**, ○ **Haarzell-L.** „CLL-Panel“: 13q-, 11q-, +12, *TP53/17p13*-Deletion, 14q32/*IGH*-Rearrangement. ○ 5q31/*EGR1* bei **Haarzell-L.** zusätzlich
- Plasmazellneoplasien:** ○ **Multipl. Myelom**, ○ **Plasmozytom**, ○ **MGUS** „MM-Panel“: *TP53/17p*-Deletion, 1p-/1q+, 13q-, +11, +21, 14q32/*IGH*-Rearrangement (t(4;14), t(6;14), t(11;14), t(14;16), t(14;20))
- B-Zell-Lymphom:** je nach Subtyp: 14q32/*IGH*-Rearrangement, 3q27/*BCL6*-, 6p25/*IRF4*-, 7q21/*CDK6*-, 8q24/*MYC*-, 11q13/*CCND1*-, 18q21/*BCL2*- und 18q21/*MALT1*-Rearrangements bzw. Zugewinn. ○ 11q Zugewinn/Verlust bei **Burkitt like lymphoma with 11q aberration**
- T-Zell-Lymphom:** je nach Subtyp: 2p23/*ALK*-, 14q11/*TCRA/D*-, 7q34/*TCRB*- und 7p14/*TCRG*-Rearrangements, 9p21/*CDKN2A*-Deletion
- B-ALL** (Akute Lymph. Leuk. B-Zell-Reihe) „B-ALL-Panel“: 11q23/*MLL*- und 14q32/*IGH*-Rearrangements, t(9;22)/*ABL-BCR*, t(12;21)/*ETV6-RUNX1*
- T-ALL** (Akute Lymph. Leuk. T-Zell-Reihe) „T-ALL-Panel“: 7p14/*TCRG*-, 7q34/*TCRB*- und 14q11/*TCRA/D*-Rearrangements, 9p21/*CDKN2A*-Deletion

- Geschlechtsdifferente Transplantation (XX/XY)**
- Gliale Tumore:** 1p/19q Ko-Deletion, *TP53/17p*-Deletion
- Solide Tumore:** \_\_\_\_\_
- nur Karyotypisierung**       **Andere Fragestellung** (Details zu angebotenen Tests siehe Rückseite): \_\_\_\_\_

### Molekulargenetische Genpanel Analyse (Spezifische Tests einzelner Gene können auf der nächste Seite angekreuzt werden)

- AML** (Akute Myeloische Leukämie) / **MDS** (Myelodysplastische Neoplasien): *NPM1* (Exon 11), *FLT3* (TKD, ITD), *CEBPA*, *RUNX1*, *ASXL1* (Exon 13), *TP53*
- MPN** (Myeloproliferative Neoplasien): *JAK2* (p.Val617Phe, Exon 12), *CALR* (Exon 9) und *MPL* (Exon 10)
- CMML** (Chronische Myelomonozytäre Leukämie): *TET2*, *SRSF2* (Exon 1), *ASXL1* (Exon 12), *KRAS* und *NRAS*
- Mastozytose:** *KIT* (p.Asp816Val)
- CLL** (Chronische Lymphatische Leukämie) / **Immunozytom:** *NOTCH1* (Exon 34), *TP53*, *SF3B1* (Exons 13-16) und *MYD88* (p.Leu265Pro)
- Malignes Lymphom:** *TP53*, ggf. weitere nach Absprache
- Periphere T-Zell-Lymphome / AITL** (Angioimmunoblastisches T-Zell Lymphom): *TET2*, *RHOA* (p.Gly17), *IDH2* (p.Arg172) und *DNMT3A*
- T-LGL / NK-LGL:** *STAT3* (Exon 21) und *STAT5B* (Exons 15-17)
- Haarzell-Leukämie:** *BRAF* (p. Val600Glu)
- Solider Tumor** (Details zu angebotenen Tests siehe Rückseite): \_\_\_\_\_

Name

Vorname

Geburtsdatum

## Molekularzytogenetische Diagnostik (FISH-Diagnostik)

Name	Vorname	Geburtsdatum
<b>Molekularzytogenetische Diagnostik (FISH-Diagnostik)</b>		
<b>Chronische Lymphatische Leukämien (CLL), Lymphoplasmazytische NHL, Immunozytome (M. Waldenström), Haarzell-Leukämie</b> <input type="checkbox"/> 13q- (13q14-Deletion D13S25/D13S319) <input type="checkbox"/> 11q- (11q22.3-Deletion <i>ATM/FOXO1</i> ) <input type="checkbox"/> +12/12q+ (12q13/ <i>DDIT3</i> ) <input type="checkbox"/> <i>TP53/17p</i> -Deletion <input type="checkbox"/> 14q32/ <i>IGH</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> <i>IGH</i> -Translokationspartner (z.B. <i>BCL2, BCL3, BCL11A</i> ) <input type="checkbox"/> 6q21 / 6q23-Deletion <input type="checkbox"/> 8q24/ <i>MYC</i> -Rearrangement bzw. Zugewinn <input type="checkbox"/> dup/5q31/ <i>EGR1</i> bei Haarzell-Leukämien	<b>Plasmazellneoplasien: Multiple Myelome* / Plasmazytome* / MGUS*</b> <input type="checkbox"/> 13q- (13q14-Deletion <i>RB1</i> ) <input type="checkbox"/> <i>TP53/17p</i> -Deletion <input type="checkbox"/> 14q32/ <i>IGH</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> t(4;14)(p16;q32)/ <i>MMSET/FGFR3-IGH</i> <input type="checkbox"/> t(11;14)(q13;q32)/ <i>CCND1-IGH</i> <input type="checkbox"/> t(14;16)(q32;q23)/ <i>IGH-MAF</i> <input type="checkbox"/> t(14;20)(q32;q12)/ <i>IGH-MAFB</i> <input type="checkbox"/> weitere t(14q32)-Partner (z.B. 6p25/ <i>IRF4, 8q24/MYC</i> ) <input type="checkbox"/> +11/11q+ (CEP11/ <i>ATM/FOXO1</i> ) <input type="checkbox"/> +21 (21q22/ <i>RCAN1</i> ) <input type="checkbox"/> 1p-1q+ (1p32/ <i>CDKN2C</i> -Del. / 1q23/ <i>IRTA1-2</i> -Zugewinn) <input type="checkbox"/> Hyperdiploidie/weitere Trisomien (z.B. +3, +9, +15) (*Analyse an angereicherten Plasmazellen)	<b>Akute Myeloische Leukämien (AML) Myelodysplastische Syndrome (MDS)</b> <input type="checkbox"/> t(8;21)(q22;q22)/ <i>RUNX1T1-RUNX1</i> = ( <i>ETO-AML1</i> ) <input type="checkbox"/> t(15;17)(q24;q21)/ <i>PML-RARA</i> <input type="checkbox"/> inv(16) / 16q22- <i>CBFB</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 3q26/ <i>MECOM(EVI1)</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 11q23/ <i>MLL(KMT2A)</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 17q21/ <i>RARA</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> -5/5q- 5q31/ <i>EGR1</i> - 5q32/ <i>PDGFRB</i> <input type="checkbox"/> -7/7q- 7q11/ <i>WBS</i> - 7q31/ <i>D7S486, D7S522</i> <input type="checkbox"/> +8 <input type="checkbox"/> 13q- (13q14-Deletion <i>RB1</i> ) <input type="checkbox"/> <i>TP53/17p</i> -Deletion <input type="checkbox"/> 20q- (20q12-Deletion <i>MAFB</i> ) <input type="checkbox"/> Y-Verlust (bei Männern)
<b>B-Zell-Lymphome</b>		
<b>Burkitt-Lymphome / -Leukämie (BL)</b>		
<input type="checkbox"/> 8q24/ <i>MYC</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> t(8;14)(q24;q32)/ <i>MYC-IGH</i> <input type="checkbox"/> t(2;8)(p11.2;q24)/ <i>IGK-MYC</i> <input type="checkbox"/> t(8;22)(q24;q11)/ <i>MYC-IGH</i> <input type="checkbox"/> 11q Zugewinn/Verlust	<b>T-Zell-Lymphome</b>	
<b>Anaplastisch-Großzellige-Lymphome (ALCL)</b>		
<input type="checkbox"/> 2p23/ <i>ALK</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> weitere t(2p23)-Partner	<b>Hepato-Splenische <math>\gamma\delta</math>-T-Zell-Lymphome</b>	
<input type="checkbox"/> +8 <input type="checkbox"/> iso(7q)	<b>T-Prolymphozyten-Leukämien (T-PLL)</b>	
<input type="checkbox"/> 14q11/ <i>TCRA/D</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 14q32/ <i>TCL1</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> Xq28/ <i>MTCP1</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> iso(8q) <input type="checkbox"/> 11q- (11q22.3-Deletion <i>ATM/FOXO1</i> ) <input type="checkbox"/> <i>TP53/17p</i> -Deletion	<b>Periphere T-Zell-Lymphome, AILT</b>	
<input type="checkbox"/> 7p14/ <i>TCRG</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 7q34/ <i>TCRB</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 9q22/ <i>SYK</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 14q11/ <i>TCRA/D</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 6p25/ <i>IRF4</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 2p13/ <i>REL</i> -Zugewinn <input type="checkbox"/> 4q12/ <i>PDGFRFA</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 9q34/ <i>NOTCH1</i> -Rearrangement bzw. Zugewinn	<b>Akute Lymphatische Leukämie der B-Zell Reihe (B-ALL)</b>	
<input type="checkbox"/> weitere t(14q32)-Partner (z.B. 1p/ <i>BCL10, 18q/MALT1</i> )	<b>Akute Lymphatische Leukämie der T-Zell Reihe (T-ALL)</b>	
<b>Mantelzelllymphome (MCL)</b> <input type="checkbox"/> t(11;14)(q13;q32)/ <i>CCND1-IGH</i> <input type="checkbox"/> 11q13/ <i>CCND1</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 2p13/ <i>CCND2</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 6p21/ <i>CCND3</i> -Rearrangement	<input type="checkbox"/> t(9;22)(q34;q11)/ <i>ABL-BCR</i> <input type="checkbox"/> t(12;21)(p13;q22)/ <i>ETV6-RUNX1</i> = ( <i>TEL-AML1</i> ) <input type="checkbox"/> 11q23/ <i>MLL(KMT2A)</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 12p13/ <i>ETV6</i> -Rearrangement bzw. Deletion <input type="checkbox"/> 14q32/ <i>IGH</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> Xp22-Yp/ <i>CRLF2</i> -Rearrangement bzw. Deletion <input type="checkbox"/> 8q24/ <i>MYC</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> t(8;14)(q24;q32)/ <i>MYC-IGH</i> <input type="checkbox"/> t(2;8)(p11.2;q24)/ <i>IGK-MYC</i> <input type="checkbox"/> t(8;22)(q24;q11)/ <i>MYC-IGH</i> <input type="checkbox"/> t(1;19)(q23;p13.3)/ <i>TCF3-PBX1</i> <input type="checkbox"/> t(5;14)(q3;q32.3)/ <i>IL3-IGH</i> <input type="checkbox"/> 9p21/ <i>CDKN2A</i> -Deletion	
<b>Marginalzonen-Lymphome (MZL) MALT-Lymphome</b>		
<input type="checkbox"/> 1p22/ <i>BCL10</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 3q27/ <i>BCL6</i> -Rearrangement bzw. Zugewinn <input type="checkbox"/> 7q21/ <i>CDK6</i> -Rearrangement bzw. Deletion <input type="checkbox"/> 14q32/ <i>IGH</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 18q21/ <i>MALT1</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> t(11;18)(q21;q32)/ <i>BIRC3-MALT1</i> <input type="checkbox"/> t(14;18)(q32;q21)/ <i>IGH-MALT1</i> <input type="checkbox"/> 6q21 / 6q23-Deletion <input type="checkbox"/> 7q31-Deletion <input type="checkbox"/> 13q- (13q14-Deletion D13S25/D13S319) <input type="checkbox"/> 9p21/ <i>CDKN2A</i> -Deletion <input type="checkbox"/> <i>TP53/17p</i> -Deletion	<input type="checkbox"/> Glioblastome: 1p/19q Ko-Deletion, <i>TP53/17p</i> -Deletion <input type="checkbox"/> Prostata-Karzinom: 12p13/ <i>ETV6</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> Nicht-kleinzelliges Bronchialkarz.: 2p23/ <i>ALK</i> -Rearr. <input type="checkbox"/> Liposarkom: 12q13/ <i>DDIT3</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> Rhabdoid-Tumor / ATRT: <i>SMARCB1/INI1</i> -Deletion <input type="checkbox"/> Retinoblastom: 13q- (13q14-Deletion <i>RB1</i> ) <input type="checkbox"/> Uveal-Melanom: Siehe separate Einsendeschien	
<b>Hodgkin-Lymphome</b>		
<input type="checkbox"/> 2p13/ <i>BCL11A-REL</i> -Zugewinn <input type="checkbox"/> 9p24/ <i>JAK2-PDL2</i> -Rearrangement bzw. Zugewinn <input type="checkbox"/> 16p13/ <i>CIITA</i> -Rearrangement <input type="checkbox"/> 3q27/ <i>BCL6</i> -Rearrangement (bei NLPHL)	<b>Solide Tumore</b>	
<b>Verlaufskontrolle</b>		
<input type="checkbox"/> XX / XY nach geschlechtsdifferenter Transplantation <input type="checkbox"/> anderer Marker		
<b>Andere Analysen (nach Rücksprache)</b>		

## Molekulargenetische Diagnostik (Mutationsanalysen)

Lymphatische Neoplasien	Myeloische Neoplasien	Solide Tumore
<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> (p.Val600Glu) <input type="checkbox"/> <i>EZH2</i> <input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> (p.Arg132) <input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> (p.Arg140 und p. Arg172) <input type="checkbox"/> <i>MYD88</i> (p.Leu265Pro) <input type="checkbox"/> <i>NOTCH1</i> (Exon 34) <input type="checkbox"/> <i>PTEN</i> <input type="checkbox"/> <i>TET2</i> <input type="checkbox"/> <i>TP53</i> <input type="checkbox"/> <i>RHOA</i> (p.Gly17) <input type="checkbox"/> <i>SF3B1</i> (Exons 13-16) <input type="checkbox"/> <i>STAT3</i> (Exon 21) <input type="checkbox"/> <i>STAT5B</i> (Exons 15-17)	<input type="checkbox"/> <i>ASXL1</i> (Exon 13) <input type="checkbox"/> <i>CALR</i> (Exon 9) <input type="checkbox"/> <i>CEBPA</i> <input type="checkbox"/> <i>DNMT3A</i> <input type="checkbox"/> <i>FLT3</i> (-ITD/LM) <input type="checkbox"/> <i>FLT3</i> (-TKD) <input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> (p.Arg132) <input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> (p.Arg140 und p. Arg172) <input type="checkbox"/> <i>JAK2</i> (p. Val617Phe) <input type="checkbox"/> <i>JAK2</i> (Exon 12) <input type="checkbox"/> <i>KIT</i> (p.Asp816Val) <input type="checkbox"/> <i>NPM1</i> (Exon 11) <input type="checkbox"/> <i>RUNX1</i> <input type="checkbox"/> <i>SF3B1</i> (Exons 13-16) <input type="checkbox"/> <i>SRSF2</i> (Exon 1) <input type="checkbox"/> <i>TET2</i> <input type="checkbox"/> <i>TP53</i>	<input type="checkbox"/> <i>KIT</i> (p.Asp816Val) <input type="checkbox"/> <i>TP53</i>
<b>Glioblastome</b>		
<input type="checkbox"/> <i>MGMT</i> -Methylierung <input type="checkbox"/> <i>IDH1</i> (p.Arg132) <input type="checkbox"/> <i>IDH2</i> (p.Arg140 und p. Arg172) <input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> (p.Val600Glu) <input type="checkbox"/> <i>TP53</i>		
<b>Melanom</b>		
<input type="checkbox"/> <i>BRAF</i> (p.Val600Glu, p.Asp594Asn und andere.)		
<b>Uveal-Melanom</b>		
<input type="checkbox"/> Siehe separater Einsendeschien		